

Description

Plateforme bioinformatique multi-institutionnelle pour l'analyse des ressources génomiques appliquée aux plantes méditerranéennes et tropicales. La plateforme fait partie de l'infrastructure de recherche nationale [IFB](#)

Services

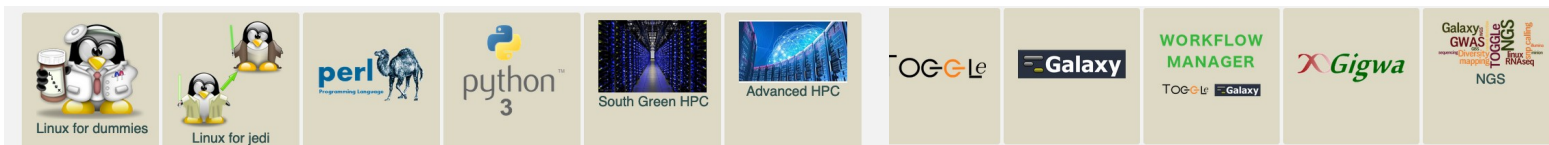
- Analyse de données de séquençage NGS : [TOGGLE](#), [SniPlay](#), [Galaxy](#)
- Evolution et phylogénie : [RAP-Green](#), [InTreeGreat](#)
- Génomique comparative : [GreenPhyl](#)
- Bases de données : [South Green Genome Hubs](#) ([Banana](#), [Coffee](#), [Cocoa](#), [Cassava](#), [Rice](#), [Grass](#), [Sugarcane](#)), [GIGWA](#) [TropGene](#), [AgroLD](#)



Equipements

- Cluster [AGAP](#)
 - Calcul* : Tous les nœuds de calcul sont interconnectés en Infiniband 40 Gb/sec
 - 23 Nœuds de calcul : Haswell 2680v3 : 24 cœurs physiques 48 Cœurs logiques 192 Go RAM
 - 1 Nœud BigMem : E74830 v3 : 48 cœurs physiques 96 cœurs logiques, 2.6 To RAM
 - 1 Nœud dédié à R-Studio: Xeon E74820 32 cœurs Physiques, 1 To RAM
 - Stockage*
 - Espace temporaire : Scratch GPFS : 270 To RAID 6 sans backup
 - Stockage longue durée : NAS : 750 To RAID 6 avec 11 SSD de 800 Go, sécurisation par snapshot. Chaque utilisateur dispose de 150 Go
- Cluster [IRD](#)
 - 27 nœuds de calculs incluant
 - 10 nœuds de 24 cœurs avec de la mémoire RAM allant de 48Go à 144 Go
 - 8 nœuds 12 cœurs, 144 Go RAM / 4 nœuds 20 cœurs, 64 Go RAM
 - 1 serveur GPU avec 8 cartes graphiques RTX 2080 et 192 Go de RAM.
 - Stockage : 18 To

Formations : <https://southgreenplatform.github.io/trainings>



Droits d'utilisation / Conditions d'accès

Être partenaire d'un projet en lien avec les plantes méditerranéennes et tropicales : plus d'information sur les sites des clusters respectifs : [AGAP](#) et [IRD](#)

Contacts : southgreen-pilotage@cirad.fr

Site Internet : <https://southgreen.fr>